

亲和层析填料 Ni 6FF (IDA)使用说明书

为确保产品的性能和无忧的操作，使用前请仔细阅读本手册，有任何疑问请咨询本公司售后技术支持或当地的销售人员。

1. 产品介绍

亲和层析填料 Ni 6FF (IDA) 是利用 Ni^{2+} 与蛋白质侧链上的某些氨基酸（主要为组氨酸、半胱氨酸、色氨酸）相互作用而进行分离纯化，适用于 His 标签蛋白及与 Ni^{2+} 具有相互作用的生物分子的分离纯化。

特点如下：

- a. 快速、简单（一步纯化）。
- b. 使用范围广、操作简单，适合重力柱和预装柱（蠕动泵或者层析系统）。
- c. 多重选择，当 Ni^{2+} 不能获得较好的应用时，可以螯合其它的金属离子进行使用（例如 Cu^{2+} 、 Zn^{2+} 、 Fe^{2+} 、 Co^{2+} 、 Ca^{2+} 等）。

备注：当螯合 Ca^{2+} 时，避免使用磷酸盐缓冲液（会形成沉淀）。

表 1：性能参数

基质	高度交联 6%的琼脂糖
粒径范围	45-165 μm
平均粒径	90 μm
结合载量	45mg(His 标签蛋白)/ml(介质)
pH 稳定性*	3-12(长期) 2-14(短期)
化学稳定性**	所有常用水溶液和缓冲液 避免使用螯合剂（例如 EDTA、EGTA）和还原剂（例如 DTT 和 DTE）
流速	600cm/h
操作压力	$\leq 0.3MPa$
贮存溶液	20% 乙醇
贮存温度	4-30 $^{\circ}C$

*：此处稳定性指的是在未螯合金属离子时介质的稳定性。

**：亲和层析填料 Ni 6FF (IDA) 在使用过程中，避免使用螯合剂和还原剂。



2. 使用（以 HT 1ml 和 HT 5ml 为例）

a. 水洗

用 5-10CV 纯化水以 0.5ml/min(HT 1ml)或 2.0ml/min(HT 5ml)清洗介质。

备注：此步骤用于去除介质中 20% 乙醇。

b. 平衡

用 5-10CV 平衡液以 0.5ml/min(HT 1ml)或 2.0ml/min(HT 5ml)平衡介质，直至基线平稳后调零。

备注：此步骤用于平衡介质，保证介质中的溶液的组分和 pH 与样本一致。

c. 上样

样品经过离心、过滤（0.45um）后以 0.2ml/min(HT 1ml)或 1.0ml/min(HT 5ml)进行上样，上样完成后用平衡液清洗直至基线为零。

备注：蛋白的结合能力随着裂解物类型、目标蛋白性质、流速、pH 变化而变化，低流速常常能增加样本的结合效率。

d. 洗杂

用 5-10CV 洗杂液以 0.5ml/min(HT 1ml)或 2.0ml/min(HT 5ml)洗杂，并收集洗杂液。

备注：洗杂液用于清洗一些非特异吸附的杂质蛋白。

e. 洗脱

用 5-10CV 洗脱液以 0.5ml/min(HT 1ml)或 2.0ml/min(HT 5ml)进行洗脱，并收集洗脱液。

备注：低流速常常能增加洗脱液中目标蛋白的浓度。

f. 水洗

用 5-10CV 纯化水以 0.5ml/min(HT 1ml)或 2.0ml/min(HT 5ml)清洗介质。

备注：此步骤用于去除介质中洗脱液。

g. 保存

用 5-10CV 20% 乙醇以 0.5ml/min(HT 1ml)或 2.0ml/min(HT 5ml)清洗介质后保存。

备注：20% 乙醇可以防止微生物的生长，20% 乙醇保存的介质可以在 4-30℃（4-8℃更佳）保存。

h. 溶液配制（如果是包涵体纯化，在下述平衡液、洗杂液、洗脱液中添加 8M 尿素或 6M 盐酸胍）

平衡液：0.02M PB、0.5M NaCl，调节 pH 7.4，室温保存。

备注：平衡液中 NaCl 是为了抑制介质的离子交换作用。

洗杂液：0.02M PB、0.5M NaCl、0.005-0.04M 咪唑，调节 pH 7.4，室温保存。

备注：根据最终使用需求（优先考虑的是纯度，还是收率），在洗杂液中加入 0.005-0.04M 咪唑（优先考虑回收率）或者直接在平衡液中加入 0.005-0.04M 咪唑（优先考虑纯度）。

洗脱液：0.02M PB、0.5M NaCl、0.5M 咪唑，调节 pH 7.4，室温保存。

备注：1. 一般情况下，洗脱液中咪唑浓度在 0.05-0.25M 即可洗脱下目标蛋白。如果咪唑不能获得较好的洗脱效果时，可以尝试以下洗脱液进行洗脱。

a. 0.02M PB、0.5M NaCl、1.0M NH₄Cl，调节 pH 7.4，室温保存；

b. 0.02M PB、0.5M NaCl，调节 pH 3.5，室温保存(此洗脱方式会导致金属离子的脱落，洗脱样品须进行缓冲液置换来去除金属离子。与此同时，为了维持目标蛋白的活性，在洗脱后的样品须用 1.0M Tris-HCl pH 9.0 调节 pH 至中性)；

c. 0.02M PB、0.5M NaCl、0.05M EDTA，调节 pH 7.4，室温保存(此洗脱方式用于从介质上



面直接剥夺金属离子，洗脱样品须进行缓冲液置换来去除金属离子)；

3. 清洗

清洗后可以去除一些强结合性物质（例如一些强结合的蛋白、变性蛋白、脂类等），从而达到恢复介质的优良性能（例如载量、流动性、柱效等）。

建议每使用 5-10 次后进行一次清洗和再生，具体清洗频率需根据纯化的初始样品的洁净度进行调整。

a.用 5-10 倍柱体积纯化水冲洗。

备注：用于去除洗脱液（使用后直接清洗）或 20%乙醇（使用前清洗）。

b.用 5-10 倍柱体积 0.02M Tris-HCl、0.1M EDTA pH 8.0 冲洗，再用 5-10 倍柱体积纯化水冲洗。

备注：用于脱 Ni²⁺。

c.用 5-10 倍柱体积 1.0M NaOH 冲洗，静置 1.0 小时后再用纯化水冲洗至中性。

备注：用于清洗一些聚集在介质上的蛋白沉淀、脂类等物质。

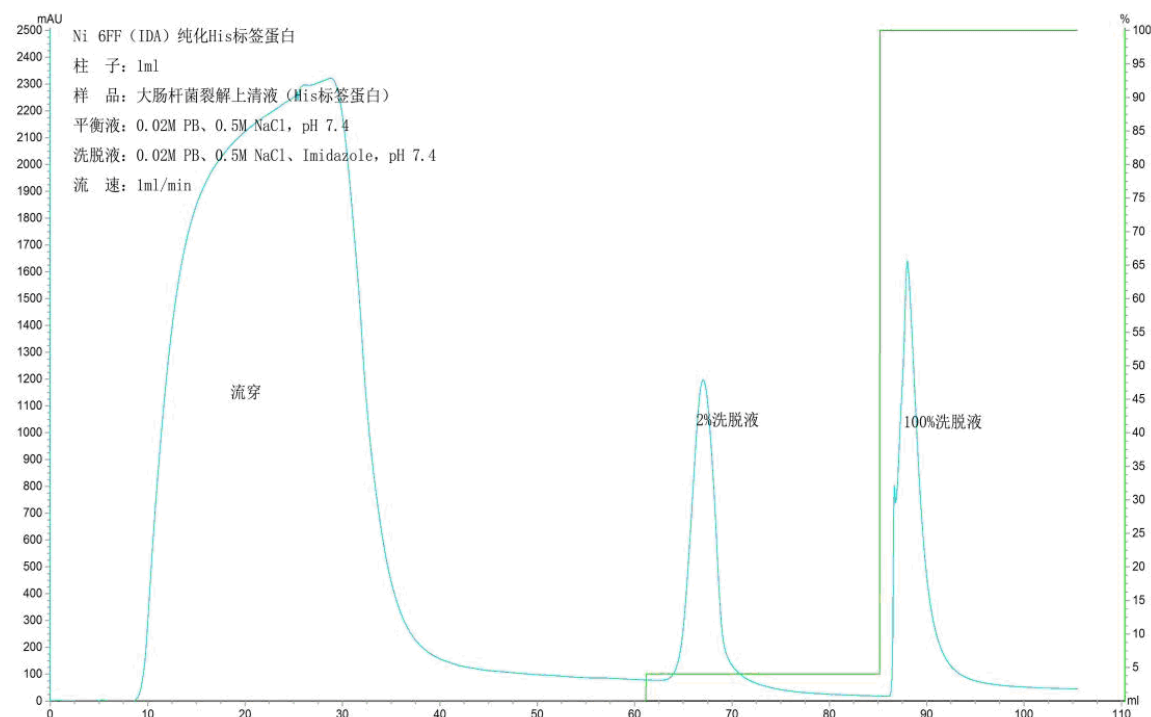
d.用 5-10 倍柱体积 0.1M NiSO₄ 冲洗，静置 0.5 小时后再用 5-10 倍柱体积纯化水冲洗。

备注：用于螯合 Ni²⁺。

e.用 5-10 倍柱体积的 20%乙醇冲洗后保存。

备注：20%乙醇可以防止微生物的生长，20%乙醇保存的介质可以在 4-30℃（4-8℃更佳）保存。

4. 应用案例



5. 常见问题

表2：常见问题及解决方案

问题	可能原因	解决方案
纯化时目标物不与介质结合或结合量较低	1.上样量过载	降低上样量
	2.上样速度过快	降低上样流速
	3.蛋白或脂类在介质中聚集影响结合	及时有效地清洗介质或更换新的介质
	4.表达条件过于剧烈,His标签被包裹,不能与介质结合	建议做一个空载体作为表达和纯化的对照,确定表达条件是否合适
	5.初始样品中没有组氨酸标签蛋白	通过基因序列或His标签抗体核实
	6.目标蛋白出现在流穿中	目标蛋白没有成功表达或样品与平衡液中pH及组分不正确
洗脱时没有收集到目标物或只收集到少量目标物	1.目标物没有与介质结合或结合量较少	先确认目标物是否与介质结合
	2.洗脱条件不合适	加大洗脱液中咪唑浓度
	3.洗脱时间不够	降低流速,延长洗脱液的保留时间
	4.洗脱体积过小	加大洗脱体积
	5.洗杂时,目的蛋白被洗下来	降低洗杂液中的咪唑浓度
	6.目标物在洗脱液条件下出现聚集沉淀	检测目标物在洗脱液条件(pH和盐浓度)下的溶解度和稳定性。可以尝试在洗脱液中加入一些添加剂:如0.2% Triton X-100或0.5% Tween 20
目标物纯度较低	1.样品没有经过前处理	样品上柱前必须要经过离心或过滤
	2.样品粘度过高	用平衡液适当的稀释样品,降低粘度。
	3.洗杂不彻底	加大洗杂体积直至基线平稳并与平衡液一致
	4.杂质蛋白或脂类在介质中聚集沉淀	及时有效地清洗介质
	5.杂质与Ni ²⁺ 具有较高的亲和力。	用其它类型介质进行纯化(如离子或分子筛)
	6.目标物出现降解	检测目标物的稳定性并加入蛋白酶抑制剂
	7.柱料装填效果不佳	重新装填或购买
	8.杂质与介质出现非特异性吸附	适当选择添加剂降低非特异性



		吸附,可以尝试在样品中加入一些添加剂: 如0.5% Triton X-100、1.0% Tween 20或50% 甘油
	9.分离柱顶部有较大储样体积	重新装柱或降低储样体积
	10.介质中有微生物生长	介质使用完后,请及时正确保存介质
介质载量下降	1.上样速度过快	降低上样流速
	2.蛋白或脂类在介质中聚集,导致载量下降。	及时清洗介质
	3.使用次数过多	更换新介质
	4.表达条件过于剧烈,His标签被包裹,不能较好与介质结合	建议做一个空载体作为表达和纯化的对照,确定表达条件是否合适
色谱峰上升缓慢	介质装填过紧	重新装柱
色谱峰拖尾	介质装填太松	重新装柱
柱床有裂缝或干涸	出现泄露或大体积气泡引入	检查管路是否有泄露或气泡,重新装柱
液流较慢	1.蛋白或脂类聚集	及时清洗介质或滤膜
	2.蛋白沉淀在介质中	调整平衡液和洗脱液组分,以维持目标物的稳定性和介质的结合效率
	3.分离柱中微生物生长	所用试剂必须经过过滤和脱气;样品上柱前必须离心或过滤

6. 订购信息

表3: 订购信息表

产品	规格(ml)	货号
Ni 6FF (IDA)	25	HZ1003-7
Ni 6FF (IDA)	100	HZ1003-7
Ni 6FF (IDA)	500	HZ1003-7
Ni 6FF (IDA)	1000	HZ1003-7

